TABLE 2

DP178 CARBOXY TRUNCATIONS

5	YTS	
	YTSL	
	YTSLI	
	YTSLIH	SEQ ID NO:116
	YTSLIHS	SEQ ID NO:115
10	YTSLIHSL	SEQ ID NO:114
	YTSLIHSLI	SEQ ID NO:113
. 11	YTSLIHSLIE	SEQ ID NO:112
13. Jd.	YTSLIHSLIEE	SEQ ID NO:111
a contid.	YTSLIHSLIEES	SEQ ID NO:110
15	YTSLIHSLIEESQ	SEQ ID NO:109
	YTSLIHSLIEESQN	SEQ ID NO:108
	YTSLIHSLIEESQNQ	SEQ ID NO:107
	YTSLJHSLJEESQNQQ	SEQ ID NO:106
,	YTSLIHSLIEESQNQQE	SEQ ID NO:105
20	YTSLIHSLIEESQNQQEK	SEQ ID NO:104
	YTSLIHSLIEESQNQQEKN	SEQ ID NO:103
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNE	SEQ ID NO:102
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQ	SEQ ID NO:101
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQE	SEQ ID NO:100
25	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQEL	SEQ ID NO:99
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELL	SEQ ID NO:98
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLE	SEQ ID NO:97
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLEL	SEQ ID NO:96
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELD	SEQ ID NO:95
30	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDK	SEQ ID NO:94

	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKW	SEQ ID NO:93
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWA	SEQ ID NO:92
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWAS	SEQ ID NO:91
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASL	SEQ ID NO:90
5	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLW	SEQ ID NO:89
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWN	SEQ ID NO:88
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNW	SEQ ID NO:87
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:1

G3

TABLE 3

DP178 AMINO TRUNCATIONS 5 **NWF WNWF LWNWF** 10 SEQ ID NO:146 **SLWNWF** SEQ ID NO:145 **ASLWNWF** SEQ ID NO:144 WASLWNWF **KWASLWNWF** SEQ ID NO:143 **DKWASLWNWF** SEQ ID NO:142 15 LDKWASLWNWF SEQ ID NO:141 SEQ ID NO:140 **ELDKWASLWNWF** SEQ ID NO:139 LELDKWASLWNWF **LLELDKWASLWNWF** SEQ ID NO:138 **ELLELDKWASLWNWF** SEQ ID NO:137 20 QELLELDKWASLWNWF SEQ ID NO:136 SEQ ID NO:135 **EQELLELDKWASLWNWF** NEQELLELDKWASLWNWF SEQ ID NO:134 SEQ ID NO:133 KNEQELLELDKWASLWNWF EKNEQELLELDKWASLWNWF SEQ ID NO:132 25 SEQ ID NO:131 QEKNEQELLELDKWASLWNWF SEQ ID NO:130 QQEKNEQELLELDKWASLWNWF NQQEKNEQELLELDKWASLWNWF SEQ ID NO:129 **QNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF** SEQ ID NO:128 SQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF SEQ ID NO:127

ESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF

SEQ ID NO:126

03

	EESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:125
	IEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:124
	LIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:123
	SLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:122
5	HSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:121
	IHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:120
	LIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:119
	SLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:118
	TSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:117
10	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF	SEQ ID NO:1

TABLE 4

DP107 CARBOXY TRUNCATIONS

5	NNL	
	NNLL	
	NNLLR	
	NNLLRA	SEQ ID NO:178
	NNLLRAI	SEQ ID NO:177
10	NNLLRAIE	SEQ ID NO:176
	NNLLRAIEA	SEQ ID NO:175
	NNLLRAIEAQ	SEQ ID NO:174
	NNLLRAIEAQQ	SEQ ID NO:173
	NNLLRAIEAQQH	SEQ ID NO:172
15	NNLLRAIEAQQHL	SEQ ID NO:171
	NNLLRAIEAQQHLL	SEQ ID NO:170
	NNLLRAIEAQQHLLQ	SEQ ID NO:169
	NNLLRAIEAQQHLLQL	SEQ ID NO:168
	NNLLRAIEAQQHLLQLT	SEQ ID NO:167
20	NNLLRAIEAQQHLLQLTV	SEQ ID NO:166
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVW	SEQ ID NO:165
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQ	SEQ ID NO:164
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQI	SEQ ID NO:163
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIK	SEQ ID NO:162
25	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQ	SEQ ID NO:161
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQL	SEQ ID NO:160
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQ	SEQ ID NO:159
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQA	SEQ ID NO:158
•	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQAR	SEQ ID NO:157
30	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARI	SEQ ID NO:156

	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARIL	SEQ ID NO:155
•	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILA	SEQ ID NO:154
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAV	SEQ ID NO:153
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVE	SEQ ID NO:152
5	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVER	SEQ ID NO:151
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERY	SEQ ID NO:150
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYL	SÉQ ID NO:149
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLK	SEQ ID NO:148
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKD	SEQ ID NO:147
10	${\tt NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ}$	SEQ ID NO:2



TABLE 5

DP107 AMINO TRUNCATIONS

5	KDQ	
	LKDQ	
	YLKDQ	
	RYLKDQ	SEQ ID NO:210
	ERYLKDQ	SEQ ID NO:209
10	VERYLKDQ	SEQ ID NO:208
	AVERYLKDQ	SEQ ID NO:207
	LAVERYLKDQ	SEQ ID NO:206
	ILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:205
	RILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:204
15	ARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:203
	QARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:202
	LQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:201
	QLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:200
	KQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:199
20	IKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:198
	QIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:197
	WQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:196
	VWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:195
	TVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:194
25	LTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:193
	QLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:192
	LQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:191
	LLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:190
	HLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:189
30	QHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:188

	QQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:187
	AQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:186
	EAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:185
	IEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:184
5	AIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:183
	RAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:182
	LRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:181
	LLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:180
	NLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:179
10	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ	SEQ ID NO:2



TABLE 6

5	LEA	
	LEAN	
	LEANI	
	LEANIS	SEQ ID NO:240
	LEANISQ	· SEQ ID NO:239
10	LEANISQS	SEQ ID NO:238
	LEANISQSL	SEQ ID NO:237
	LEANISQSLE	SEQ ID NO:236
	LEANISQSLEQ	SEQ ID NO:235
	LEANISQSLEQA	SEQ ID NO:234
15	LEANISQSLEQAQ	SEQ ID NO:233
	LEANISQSLEQAQI	SEQ ID NO:232
	LEANISQSLEQAQIQ	SEQ ID NO:231
	LEANISQSLEQAQIQQ	SEQ ID NO:230
	LEANISQSLEQAQIQQE	SEQ ID NO:229
20	LEANISQSLEQAQIQQEK	SEQ ID NO:228
	LEANISQSLEQAQIQQEKN	SEQ ID NO:227
	LEANISQSLEQAQIQQEKNM	SEQ ID NO:226
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMY	SEQ ID NO:225
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYE	SEQ ID NO:224
25	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYEL	SEQ ID NO:223
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQ	SEQ ID NO:222
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQK	SEQ ID NO:221
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKL	SEQ ID NO:220
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLN	SEQ ID NO:219
30	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNS	SEQ ID NO:218

	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSW	SEQ ID NO:217
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWD	SEQ ID NO:216
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDV	SEQ ID NO:215
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVF	SEQ ID NO:214
5	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFT	SEQ ID NO:213
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTN	SEQ ID NO:212
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNW	SEQ ID NO:211
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:7

97

TABLE 7

TITTI	D D 1 50	4	•	
HIV-250002	110178	analog	amino	truncations
111 / LANIHA	D1 1/0	anaiog	annin	uncanons

5	NWL	
	TNWL	
	FTNWL	
	VFTNWL	SEQ ID NO:270
	DVFTNWL	SEQ ID NO:269
10	WDVFTNWL	SEQ ID NO:268
	SWDVFTNWL	SEQ ID NO:267
	NSWDVFTNWL	SEQ ID NO:266
	LNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:265
	KLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:264
15	QKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:263
	LQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:262
	ELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:261
	YELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:260
	MYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:259
20	NMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:258
	KNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:257
	EKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:256
	QEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:255
	QQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:254
25	IQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:253
	QIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:252
	AQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:251
	QAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:250
	EQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:249
30	LEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:248

(19

	SLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:247
	QSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:246
	SQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:245
	ISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:244
5	NISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:243
	ANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:242
•	EANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:241
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL	SEQ ID NO:7



TABLE 8

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) DP107 F2 REGION ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

5		
	YTS	
	YTSV	
	YTSVI	
	YTSVIT	SEQ ID NO:312
10	YTSVITI	SEQ ID NO:311
	YTSVITIE	SEQ ID NO:310
	YTSVITIEL	SEQ ID NO:309
	YTSVITIELS	SEQ ID NO:308
	YTSVITIELSN	SEQ ID NO:307
15	YTSVITIELSNI	SEQ ID NO:306
	YTSVITIELSNIK	SEQ ID NO:305
	YTSVITIELSNIKE	SEQ ID NO:304
	YTSVITIELSNIKEN	SEQ ID NO:303
	YTSVITIELSNIKENK	SEQ ID NO:302
20	YTSVITIELSNIKENKC	SEQ ID NO:301
	YTSVITIELSNIKENKCN	SEQ ID NO:300
	YTSVITIELSNIKENKCNG	SEQ ID NO:299
	YTSVITIELSNIKENKCNGT	SEQ ID NO:298
	YTSVITIELSNIKENKCNGTD	SEQ ID NO:297
25	YTSVITIELSNIKENKCNGTDA	SEQ ID NO:296
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAK	SEQ ID NO:295
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKV	SEQ ID NO:294
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVK	SEQ ID NO:293
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKL	SEQ ID NO:292
30	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLI	SEQ ID NO:291

	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIK	SEQ ID NO:290
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQ	SEQ ID NO:289
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQE	SEQ ID NO:288
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQEL	SEQ ID NO:287
5	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELD	SEQ ID NO:286
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDK	SEQ ID NO:285
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKY	SEQ ID NO:284
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYK	SEQ ID NO:283
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKN	SEQ ID NO:282
10	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNA	SEQ ID NO:281
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAV	SEQ ID NO:280
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	SEQ ID NO:279
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	E SEQ ID NO:278
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	EL SEQ ID NO:277
15	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQ SEQ ID
	NO:276	
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQL SEQ ID
	NO:275	
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQLL SEQ ID
20	NO:274	
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQLLM SEQ ID .
	NO:273	
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQLLMQ SEQ ID
	NO:272	
25	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQLLMQS SEQ
	ID NO:271	
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVT	ELQLLMQST SEQ
	ID NO:13	



TABLE 9

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) DP107 F2 REGION ANALOG AMINO TRUNCATIONS

5 **QST MQST LMQST** LLMQST SEQ ID NO:353 10 SEQ ID NO:352 **QLLMQST** LQLLMQST SEQ ID NO:351 SEQ ID NO:350 **ELQLLMQST** SEQ ID NO:349 TELQLLMQST VTELQLLMQST SEQ ID NO:348 15 AVTELQLLMQST SEQ ID NO:347 SEQ ID NO:346 NAVTELQLLMQST SEQ ID NO:345 KNAVTELQLLMQST YKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:344 KYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:343 20 DKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:342 LDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:341 ELDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:340 SEQ ID NO:339 QELDKYKNAVTELQLLMQST KQELDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:338 25 IKQELDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:337 SEQ ID NO:336 LIKQELDKYKNAVTELQLLMQST KLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:335 VKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:334 KVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST SEQ ID NO:333 30 SEQ ID NO:332 AKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST

	DAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:331
	TDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:330
	GTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:329
	NGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:328
5	CNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:327
	KCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:326
	NKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:325
	KENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:324
	IKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:323
10	NIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST	SEQ ID NO:322
	SNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQS	ST SEQ ID NO:321
	LSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQ	ST SEQ ID
	NO:320	
	ELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLM	QST SEQ ID
15	NO:319	
	IELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLM	AQST SEQ ID
	NO:318	
_	TIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLL	MQST SEQ ID
)	NO:317	•
20	ITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLI	LMQST SEQ ID
	NO:316	
	VITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQ	LLMQST SEQ ID
•	NO:315	
	SVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTEL	QLLMQST SEQ ID
25	NO:314	
	TSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTE	LQLLMQST SEQ
	ID NO:313	

TABLE 10

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) F1 DP178 REGION ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

5		
	FYD	
	FYDP	
	FYDPL	
	FYDPLV	SEQ ID NO:385
10	FYDPLVF	SEQ ID NO:384
	FYDPLVFP	SEQ ID NO:383
	FYDPLVFPS	SEQ ID NO:382
À	FYDPLVFPSD	SEQ ID NO:381
	FYDPLVFPSDE	SEQ ID NO:380
15	FYDPLVFPSDEF	SEQ ID NO:379
	FYDPLVFPSDEFD	SEQ ID NO:378
	FYDPLVFPSDEFDA	SEQ ID NO:377
	FYDPLVFPSDEFDAS	SEQ ID NO:376
	FYDPLVFPSDEFDASI	SEQ ID NO:375
20	FYDPLVFPSDEFDASIS	SEQ ID NO:374
	FYDPLVFPSDEFDASISQ	SEQ ID NO:373
	FYDPLVFPSDEFDASISQV	SEQ ID NO:372
	FYDPLVFPSDEFDASISQVN	SEQ ID NO:371
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNE	SEQ ID NO:370
25	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEK	SEQ ID NO:369
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKI	SEQ ID NO:368
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKIN	SEQ ID NO:367
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQ	SEQ ID NO:366
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQS	SEQ ID NO:365
30	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSL	SEQ ID NO:364

	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLA	SEQ ID NO:363
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAF	SEQ ID NO:362
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFI	SEQ ID NO:361
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIR	SEQ ID NO:360
5	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRK	SEQ ID NO:359
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKS	SEQ ID NO:358
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSD	SEQ ID NO:357
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDE	SEQ ID NO:356
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDEL	SEQ ID NO:355
10	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:354



TABLE 11

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) F1 DP178 REGION ANALOG AMINO TRUNCATIONS

5		
	DELL	
	SDELL	
	KSDELL	SEQ ID NO:416
	RKSDELL	SEQ ID NO:415
10	IRKSDELL	SEQ ID NO:414
	FIRKSDELL	SEQ ID NO:413
	AFIRKSDELL	SEQ ID NO:412
	LAFIRKSDELL	SEQ ID NO:411
	SLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:410
15	QSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:409
	NQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:408
	INQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:407
	KINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:406
	EKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:405
20	NEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:404
	VNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:403
	QVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:402.
	SQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:401
	ISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:400
25	SISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:399
	ASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:398
	DASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:397
	FDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:396
	EFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:395
30	DEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:394

d'I

	SDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:393
	PSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:392
	FPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:391
	VFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:390
5	LVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:389
	PLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:388
	DPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL	SEQ ID NO:387
	YDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL,	SEQ ID NO:386

TABLE 12

HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP178 ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

5		
•	ITL	
	ITLN	
	ITLNN	
	ITLNNS	SEQ ID NO:446
10	ITLNNSV	SEQ ID NO:445
	ITLNNSVA	SEQ ID NO:444
	ITLNNSVAL	SEQ ID NO:443
	ITLNNSVALD	SEQ ID NO:442
	ITLNNSVALDP	SEQ ID NO:441
15	ITLNNSVALDPI	SEQ ID NO:440
	ITLNNSVALDPID	SEQ ID NO:439
	ITLNNSVALDPIDI	SEQ ID NO:438
	ITLNNSVALDPIDIS	SEQ ID NO:437
	ITLNNSVALDPIDISI	SEQ ID NO:436
20	ITLNNSVALDPIDISIE	SEQ ID NO:435
	ITLNNSVALDPIDISIEL	SEQ ID NO:434
	ITLNNSVALDPIDISIELN	SEQ ID NO:433
	ITLNNSVALDPIDISIELNK	SEQ ID NO:432
	ITLNNSVALDPIDISIELNKA	SEQ ID NO:431
25	ITLNNSVALDPIDISIELNKAK	SEQ ID NO:430
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKS	SEQ ID NO:429
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSD	SEQ ID NO:428
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDL	SEQ ID NO:427
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLE	SEQ ID NO:426
30	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEE	SEQ ID NO:425

	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEES	SEQ ID NO:424
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESK	SEQ ID NO:423
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKE	SEQ ID NO:422
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEW	SEQ ID NO:421
5	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWI	SEQ ID NO:420
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIR	SEQ ID NO:419
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRR	SEQ ID NO:418
	ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO:417

Jan

TABLE 13

HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP178 ANALOG AMINO TRUNCATIONS

5		
	RRS	
	IRRS	
	WIRRS	
	EWIRRS	SEQ ID NO :475
10	KEWIRRS	SEQ ID NO :474
	SKEWIRRS	SEQ ID NO :473
	ESKEWIRRS	SEQ ID NO :472
	EESKEWIRRS	SEQ ID NO :471
	LEESKEWIRRS	SEQ ID NO :470
15	DLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :469
	SDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :468
	KSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :467
	AKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :466
	KAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :465
20	NKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :464
	LNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :463
	ELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :462
	IELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :461
	SIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :460
25	ISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :459
	DISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :458
	IDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :457
	PIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :456
	DPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :455
30	I DDIDICIEI NK VK ZDI EECK EMIBBC	SEO ID NO :454

a2

	ALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO:453
	VALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :452
	SVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO:451
	NSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :450
5	NNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO:449
	LNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO:448
٠	TLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS	SEQ ID NO :447

TABLE 14

HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP107 ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

5		
	ALG	
	ALGV	
	ALGVA	
	ALGVAT	SEQ ID NO:504
10	ALGVATS	SEQ ID NO:503
	ALGVATSA	SEQ ID NO:502
	ALGVATSAQ	SEQ ID NO:501
	ALGVATSAQI	SEQ ID NO:500
	ALGVATSAQIT	SEQ ID NO:499
15	ALGVATSAQITA	SEQ ID NO:498
	ALGVATSAQITAA	SEQ ID NO:497
	ALGVATSAQITAAV	SEQ ID NO:496
	ALGVATSAQITAAVA	SEQ ID NO:495
	ALGVATSAQITAAVAL	SEQ ID NO:494
20	ALGVATSAQITAAVALV	SEQ ID NO:493
	ALGVATSAQITAAVALVE	SEQ ID NO:492
	ALGVATSAQITAAVALVEA	SEQ ID NO:491
,	ALGVATSAQITAAVALVEAK	SEQ ID NO:490
7	ALGVATSAQITAAVALVEAKQ	SEQ ID NO:489
25	ALGVATSAQITAAVALVEAKQA	SEQ ID NO:488
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQAR	SEQ ID NO:487
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARS	SEQ ID NO:486
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSD	SEQ ID NO:485
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDI	SEQ ID NO:484
30	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIE	SEQ ID NO:483

	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEK	SEQ ID NO:482
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKL	SEQ ID NO:481
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLK	SEQ ID NO:480
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKE	SEQ ID NO:479
5	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEA	SEQ ID NO:478
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAI	SEQ ID NO:477
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIR	SEQ ID NO:476



TABLE 15

HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP107 ANALOG AMINO TRUNCATIONS

5		
	IRD	
	AIRD	
	EAIRD	
	KEAIRD	SEQ ID NO:533
10	LKEAIRD	SEQ ID NO:532
	KLKEAIRD	SEQ ID NO:531
	EKLKEAIRD	SEQ ID NO:530
	IEKLKEAIRD	SEQ ID NO:529
	DIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:528
15	SDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:527
	RSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:526
	ARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:525
	QARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:524
	KQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:523
20	AKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:522
	EAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:521
	VEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:520
	LVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:519
	ALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:518
25	VALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:517
	AVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:516
	AAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:515
	TAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:514
	ITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:513
30	QITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:512

	AQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:511
	SAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:510
	TSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:509
	ATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:508
5	VATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:507
	GVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:506
	LGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	SEQ ID NO:505

TABLE 16

ANTI-RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS	S (RSV) PEPTID
TSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKN	SEQ ID NO
SVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNA	SEQ ID NO
VITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNA	V SEQ ID NO
VAVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVS	SEQ ID NO
AVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSV	SEQ ID NO
VSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVL	SEQ ID NO
SKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLT	SEQ ID NO
KVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTS	SEQ ID NO
LEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLD	SEQ ID NO
GEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLK	SEQ ID NO
EVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKN	SEQ ID NO
VNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNY	SEQ ID NO
NKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYI	SEQ ID NO
KIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYID	SEQ ID NO
IALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDK	SEQ ID NO
ALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDKQ	SEQ ID NO
VAVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVS	SEQ ID NO
AVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSV	SEQ ID NO
VSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVL	SEQ ID NO
SKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLT	SEQ ID NO
KVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTS	SEQ ID NO
LEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLD	SEQ ID NO
GEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLK	SEQ ID NO
EVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKN	SEQ ID NO
VNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNY	SEQ ID NO

NKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYI

SEQ ID NO:27

9

KIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYID	SEQ ID NO:28
IALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDK	SEQ ID NO:29
ALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDKQ	SEQ ID NO:30



TABLE 17

ANTI-HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (H	PV3) PEPTIDES
TLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSN	SEQ ID NO:33
LNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQ	SEQ ID NO:34
NNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQK	SEQ ID NO:35
NSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKL	SEQ ID NO:36
SVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLD	SEQ ID NO:37
VALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDS	SEQ ID NO:38
ALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSI	SEQ ID NO:39
LDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIG	SEQ ID NO:40
DPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGN	SEQ ID NO:41
PIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNW	SEQ ID NO:42
IDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWH	SEQ ID NO:43
DISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHQ	SEQ ID NO:44
ISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHQS	SEQ ID NO:45
SIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHQSS	SEQ ID NO:46
IELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHQSST	SEQ ID NO:47
ELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHQSSTT	SEQ ID NO:48
TAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQS	SEQ ID NO:49
AVALVEAKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSI	SEQ ID NO:50
LVEAKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNL	SEQ ID NO:51
VEAKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLI	SEQ ID NO:52
EAKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIV	SEQ ID NO:53
AKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVA	SEQ ID NO:54
KQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAI	SEQ ID NO:55
QARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIK	SEQ ID NO:56
ARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKS	SEQ ID NO:57
RSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKSV	SEQ ID NO:58

SDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKSVQ	SEQ ID NO:59
KLKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKSVQDYVN	SEQ ID NO:60
LKEAIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKSVQDYVNK	SEQ ID NO:61
AIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKSVQDYVNKEIV	SEQ ID NO:62

5



TABLE 18

ANTI-SIMIAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS (SIV) PEPTIDES 5 WQEWERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQK SEQ ID NO:64 QEWERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKL SEQ ID NO:65 EWERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLN SEQ ID NO:66 WERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNS SEQ ID NO:67 ERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNSW SEQ ID NO:68 10 RKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNSWD SEQ ID NO:69 KVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNSWDV SEQ ID NO:70 VDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNSWDVF SEQ ID NO:71 DFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFG SEQ ID NO:72 FLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFGN SEQ ID NO:73 15



TABLE 19

ANTI-MEASLES VIRUS (MEV) PER	PTIDES
LHRIDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELL	SEQ ID NO:76
HRIDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLE	SEQ ID NO:77
RIDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLES	SEQ ID NO:78
IDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESS	SEQ ID NO:79
DLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSD	SEQ ID NO:80
LGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQ	SEQ ID NO:81
GPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQI	SEQ ID NO:82
PPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQIL	SEQ ID NO:83
PISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQILR	SEQ ID NO:84
SLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQILRSM	SEQ ID NO:85
LERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQILRSMK	SEQ ID NO:86

ancid,

Sup at

TABLE 2

DP178 CARBOXY TRUNCATIONS

5	YTS
,	YTSL
	YTSLI
	YTSLIH
	YTSLIHS
10	YTSLIHSL
	YTSLIHSLI
	YTSLIHSLIE
	YTSLIHSLIEE
	YTSLIHSLIEES
15	YTSLIHSLIEESQ
	YTSLIHSLIEESQN
	YTSLIHSLIEESQNQ
	YTSLJHSLJEESQNQQ
	YTSLIHSLIEESQNQQE /
20	YTSLIHSLIEESQNQQEK
	YTSLIHSLIEESQNQQEKN
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNE /
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQ [/]
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQE
25	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQEL
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELL
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLE
•	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLEL
	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELD
30	YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDK

5

YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWA
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWAS
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASL
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLW
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWN
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNW
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNW

DP178 AMINO TRUNCATIONS 5 NWF **WNWF** LWNWF **SLWNWF** 10 **ASLWNWF** WASLWNWF **KWASLWNWF DKWASLWNWF LDKWASLWNWF** 15 **ELDKWASLWNWF LELDKWASLWNWF LLELDKWASLWNWF ELLELDKWASLWNWF QELLELDKWASLWNWF EQELLELDKWASLWNWF** 20 **NEQELLELDKWASLW/WF** KNEQELLELDKWASKWNWF EKNEQELLELDKWASLWNWF **QEKNEQELLELDKWASLWNWF** QQEKNEQELLELDKWASLWNWF 25 NQQEKNEQEL/ELDKWASLWNWF QNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF SQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF ESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF **EESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF** 30

IEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
LIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
SLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
HSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
IHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
SLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
TSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF
YTSLIHSLIEESQNQQEKNEQELLELDKWASLWNWF

10

5

DP107 CARBOXY TRUNCATIONS

5	NNL
	NNLL
	NNLLR
	NNLLRA
	NNLLRAI
10	NNLLRAIE
	NNLLRAIEA
	NNLLRAIEAQ
	NNLLRAIEAQQ
	NNLLRAIEAQQH
15	NNLLRAIEAQQHL /
	NNLLRAIEAQQHLL /
	NNLLRAIEAQQHLLQ /
	NNLLRAIEAQQHLLQL /
	NNLLRAIEAQQHLLQLT /
20	NNLLRAIEAQQHLLQLTV /
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVW /
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQ
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQI
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIK
25	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQ
	NNLLRAIEAQQHLLØLTVWQIKQL
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQ
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQA
	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQAR
30	NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARI

10

NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILA
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAV
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVE
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVER
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERY
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYL
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYL
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLK
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKD
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKD

DP107 AMINO TRUNCATIONS

5	KDQ
	LKDQ
	YLKDQ
	RYLKDQ
	ERYLKDQ
10	VERYLKDQ
	AVERYLKDQ
	LAVERYLKDQ /
	ILAVERYLKDQ /
	RILAVERYLKDQ
15	ARILAVERYLKDQ /
	QARILAVERYLKDQ /
	LQARILAVERYLKDQ
	QLQARILAVERYLKDQ /
	KQLQARILAVERYLKDQ /
20	ikqlqarilaverylkdq /
	QIKQLQARILAVERYLKDQ
	WQIKQLQARILAVERYLKDQ
	vwqikqlqarilaver/tkdq
	TVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
25	LTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
	QLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
	LQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
	LLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
	HLLQLTVWQJKQLQARILAVERYLKDQ
30	QHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ

10

QQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
AQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
EAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
IEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
AIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
RAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
LRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
NLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ
NNLLRAIEAQQHLLQLTVWQIKQLQARILAVERYLKDQ

HIV-2_{NIHZ} DP178 analog carboxy truncations.

5	LEA
	LEAN
	LEANI
	LEANIS
	LEANISQ
10	LEANISQS
	LEANISQSL
	LEANISQSLE
	LEANISQSLEQ
	LEANISQSLEQA
15	LEANISQSLEQAQ
	LEANISQSLEQAQI /
	LEANISQSLEQAQIQ /
	LEANISQSLEQAQIQQ /
	LEANISQSLEQAQIQQE
20	LEANISQSLEQAQIQQEK
	LEANISQSLEQAQIQQEKN
	LEANISQSLEQAQIQQEKNM
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMY
	LEANISQSLEØAQIQQEKNMYE
25	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYEL
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQ
	LEANISQ\$LEQAQIQQEKNMYELQK
	LEANISØSLEQAQIQQEKNMYELQKL
	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLN
30	LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNS
	<i>1</i>

......

LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWD
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDV
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVF
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFT
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTN
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNW
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL

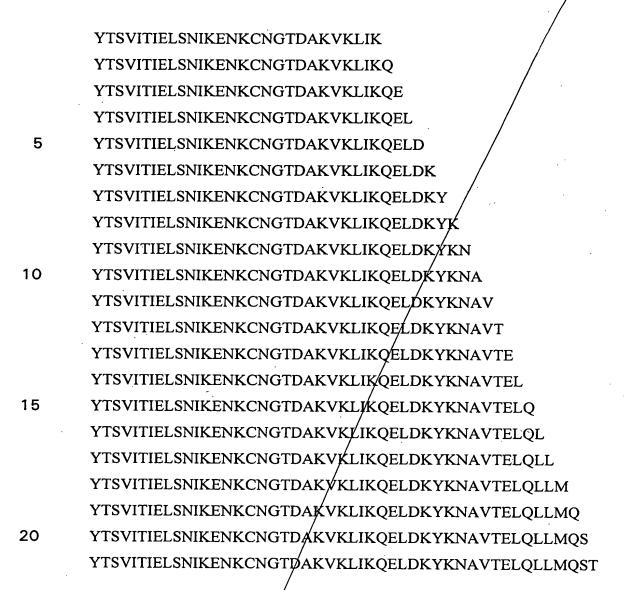
HIV-2 _{NIHZ}	DP178	analog	amin ₀ 6	truncations.
-----------------------	-------	--------	---------------------	--------------

5	NWL /
	TNWL
	FTNWL
	VFTNWL
	DVFTNWL
10	WDVFTNWL /
	SWDVFTNWL
	NSWDVFTNWL /
	LNSWDVFTNWL
	KLNSWDVFTNWL /
15	QKLNSWDVFTNWL /
	LQKLNSWDVFTNWL /
	ELQKLNSWDVFTNWL
	YELQKLNSWDVFTNWL
	MYELQKLNSWDVFTNWL
20	NMYELQKLNSWDVFTNWL
	KNMYELQKLNSWDVFTNWL
	EKNMYELQKLYSWDVFTNWL
	QEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
	QQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
25	IQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
	QIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
	AQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
	QAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
	EQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
30	LEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
	/

SLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
QSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
SQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
ISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
NISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
ANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
EANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL
LEANISQSLEQAQIQQEKNMYELQKLNSWDVFTNWL

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) DP107 F2 REGION ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

_	REGION ANALOG CAR
5	
	YTS
	YTSV
	YTSVI
	YTSVIT
10	YTSVITI
	YTSVITIE
	YTSVITIEL
	YTSVITIELS
	YTSVITIELSN /
15	YTSVITIELSNI /
	YTSVITIELSNIK
	YTSVITIELSNIKE
	YTSVITIELSNIKEN /
	YTSVITIELSNIKENK /
20	YTSVITIELSNIKENKC /
	YTSVITIELSNIKENKCN /
	YTSVITIELSNIKENKCNG
	YTSVITIELSNIKENKONGT
	YTSVITIELSNIKENKCNGTD
25	YTSVITIELSNIKENKCNGTDA
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAK
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKV
	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVK
	YTSVITIELSŅIKENKCNGTDAKVKL
30	YTSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLI
	/



RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) DP107 F2 REGION ANALOG AMINO TRUNCATIONS

	i de la
5	
	QST
	MQST
	LMQST
	LLMQST
10	QLLMQST
	LQLLMQST
	ELQLLMQST
	TELQLLMQST
	VTELQLLMQST
15	AVTELQLLMQST
	NAVTELQLLMQST /
	KNAVTELQLLMQST
	YKNAVTELQLLMQST
	KYKNAVTELQLLMQST /
20	DKYKNAVTELQLLMQST/
	LDKYKNAVTELQLLMQST
	ELDKYKNAVTELQLLMQST
	QELDKYKNAVTELQLLMQST
	KQELDKYKNAVTELQLLMQST
25	IKQELDKYKNAVTELQLLMQST
	LIKQELDKYKNAVTELQLLMQST
	KLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST
	VKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST
	KVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST
30	AKVKLIKØELDKYKNAVTELQLLMQST
	,

DAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST TDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST GTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST NGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST 5 CNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST KCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST/ NKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMØST KENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST IKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELØLLMQST 10 NIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST SNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNA / TELQLLMQST LSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST ELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST IELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST TIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST 15 ITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQÉLDKYKNAVTELOLLMOST VITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST SVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST TSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNAVTELQLLMQST

The one letter amino acid code of Table 1 is used.

20

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) F1 DP178 REGION ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

5	
	FYD
	FYDP
	FYDPL
	FYDPLV
10	FYDPLVF
	FYDPLVFP
	FYDPLVFPS
	FYDPLVFPSD
	FYDPLVFPSDE
15	FYDPLVFPSDEF /
	FYDPLVFPSDEFD
	FYDPLVFPSDEFDA /
	FYDPLVFPSDEFDAS /
	FYDPLVFPSDEFDASI /
20	FYDPLVFPSDEFDASIS /
	FYDPLVFPSDEFDASISQ /
	FYDPLVFPSDEFDASISQV
	FYDPLVFPSDEFDASISQVN
	FYDPLVFPSDEFDA\$ISQVNE
25	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEK
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKI
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKIN
	FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQ
	FYDPLVFP\$DEFDASISQVNEKINQS
30	FYDPLVFPSDEFDASISOVNEKINOSL

10

FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAF
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFI
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIR
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRK
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKS
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSD
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDE
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDEL
FYDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDEL

RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) F1 PP178 REGION ANALOG AMINO TRUNCATIONS

	IWOIOIT AITALOG AI
5	
	DELL
	SDELL
	KSDELL
	RKSDELL
10	IRKSDELL
	FIRKSDELL
	AFIRKSDELL
	LAFIRKSDELL
	SLAFIRKSDELL
15	QSLAFIRKSDELL /
	NQSLAFIRKSDELL /
	INQSLAFIRKSDELL
	KINQSLAFIRKSDELL
	EKINQSLAFIRKSDELL /
20	NEKINQSLAFIRKSDELL /
	VNEKINQSLAFIRKSDELI
	QVNEKINQSLAFIRKSDELL
	SQVNEKINQSLAFIRKSDELL
	ISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
25	SISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
	ASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
	DASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
	FDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
	EFDASISQYNEKINQSLAFIRKSDELL
30	DEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELI
	/

SDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
PSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
FPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
VFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
LVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
PLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
DPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL
YDPLVFPSDEFDASISQVNEKINQSLAFIRKSDELL

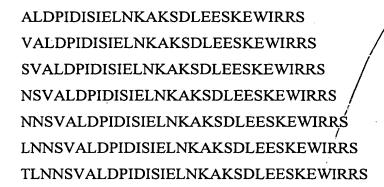
HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP178 ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

5 ITL **ITLN ITLNN ITLNNS** 10 **ITLNNSV ITLNNSVA ITLNNSVAL ITLNNSVALD ITLNNSVALDP** 15 **ITLNNSVALDPI ITLNNSVALDPID ITLNNSVALDPIDI ITLNNSVALDPIDIS ITLNNSVALDPIDISI** 20 **ITLNNSVALDPIDISIE ITLNNSVALDPIDISIE** ITLNNSVALDPIDISIÉLN ITLNNSVALDPIDIŞİELNK ITLNNSVALDPIDÍSIELNKA 25 ITLNNSVALDPIDISIELNKAK **ITLNNSVALDPIDISIELNKAKS** ITLNNSVALÓPIDISIELNKAKSD ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDL ITLNNSVÁLDPIDISIELNKAKSDLE 30 ITLNNSÝALDPIDISIELNKAKSDLEE

ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESK
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKE
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKE
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEW
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWI
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIR
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRR
ITLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRR

HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP178 ANALOG AMINO TRUNCATIONS

5 **RRS IRRS WIRRS** EWIRRS -10 **KEWIRRS SKEWIRRS ESKEWIRRS EESKEWIRRS LEESKEWIRRS** 15 **DLEESKEWIRRS SDLEESKEWIRRS KSDLEESKEWIRRS AKSDLEESKEWIRRS** KAKSDLEESKEWIRR'S **NKAKSDLEESKEWIRRS** 20 LNKAKSDLEESKÉWIRRS ELNKAKSDLEEŚKEWIRRS **IELNKAKSDLÉESKEWIRRS** SIELNKAKSÓLEESKEWIRRS **ISIELNKAKSDLEESKEWIRRS** 25 DISIELNKAKSDLEESKEWIRRS **IDISIEĽNKAKSDLEESKEWIRRS PIDIŞİELNKAKSDLEESKEWIRRS** DPĮDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS 30 LDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRS



HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP107 ANALOG CARBOXY TRUNCATIONS

	DP107 ANALOG CARBOX	
5		7
	ALG /	/
	ALGV //	/
	ALGVA //	
	ALGVAT /	
10	ALGVATS	
	ALGVATSA	
	ALGVATSAQ	
	ALGVATSAQI /	
	ALGVATSAQIT /	
15	ALGVATSAQITA /	
	ALGVATSAQITAA /	
	ALGVATSAQITAAV /	
	ALGVATSAQITAAVA	
	ALGVATSAQITAAVAL	
20	ALGVATSAQITAAYALV	
	ALGVATSAQITAAVALVE	
	ALGVATŠAQITAAVALVEA	
	ALGVATSAQITAAVALVEAK	
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQ	
25	ALGVATSAQITAAVALVEAKQA	
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQAR	
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARS	
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSD	
	ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDI	
30	ALGVĄTSAQITAAVALVEAKQARSDIE	

ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKL
ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKL
ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLK
ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEA
ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAI
ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAI
ALGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIR

HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV3) F1 REGION DP107 ANALOG AMINO TRUNCATIONS

	DP107 ANALOG AMINO TRUNC	. 4
5		_
	IRD	
	AIRD	/
	EAIRD	
	KEAIRD	
10	LKEAIRD	
	KLKEAIRD /	
	EKLKEAIRD	
	IEKLKEAIRD /	
	DIEKLKEAIRD	
15	SDIEKLKEAIRD	
	RSDIEKLKEAIRD /	
	ARSDIEKLKEAIRD	
	QARSDIEKLKEAIRD /	
	KQARSDIEKLKEAIRD	
20	AKQARSDIEKLKEAIRD /	
	EAKQARSDIEKLKEAIRD /	
	VEAKQARSDIEKLKEAIRD /	
	LVEAKQARSDIEKLKEAIRD /	
	ALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
25	VALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
	AVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
	AAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
	TAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
	ITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
30	QITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD	
	1	

AQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD
SAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD
TSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD
ATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD
VATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD
GVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD
LGVATSAQITAAVALVEAKQARSDIEKLKEAIRD

ANTI-RESPIRATORY SYNCYTIAL VIRUS (RSV) PEPTIDES

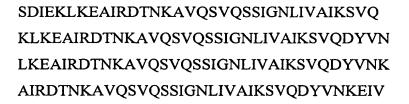
5	TSVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKN
	SVITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNA
	VITIELSNIKENKCNGTDAKVKLIKQELDKYKNA
	VAVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVS
	AVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSV/
10	VSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVI
	SKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLT
	KVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTS
	LEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLD
	GEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLK
15	EVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKN
	VNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNY
	NKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYI
	KIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYID
	IALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDK
20	ALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDKQ
	VAVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVS
	AVSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSV
	VSKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVL
	SKVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLT
25	KVLHLEGEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTS
	LEGEVNKIALLSTNKAVÝSLSNGVSVLTSKVLD
	GEVNKIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLK
	EVNKIALLSTNKAVYSLSNGVSVLTSKVLDLKN
	VNKIALLSTNKAVYSLSNGVSVLTSKVLDLKNY
30	NKIALLSTNKAVYSLSNGVSVLTSKVLDLKNYI

KIALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYID IALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDK ALLSTNKAVVSLSNGVSVLTSKVLDLKNYIDKQ

ANTI-HUMAN PARAINFLUENZA VIRUS 3 (HPV/3) PEPTIDES

5 TLNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSN LNNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQ NNSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOK NSVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKL SVALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLD 10 VALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLDS ALDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLDSI LDPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLDSIG DPIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLDSIGN PIDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLDSIGNW IDISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWH 15 DISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHQ ISIELNKAKSDLEESKEWIRRSNQKLDSIGNWHOS SIELNKAKSDLEESKEWIRRSNØKLDSIGNWHQSS IELNKAKSDLEESKEWIRRSNØKLDSIGNWHQSST 20 ELNKAKSDLEESKEWIRRSNOKLDSIGNWHOSSTT TAAVALVEAKQARSDIEKI/KEAIRDTNKAVQSVQS AVALVEAKQARSDIEKLKEAIRDTNKAVQSVQSSI LVEAKQARSDIEKLKE AIRDTNKAVQSVQSSIGNL VEAKQARSDIEKLKE AIRDTNKAVQSVQSSIGNLI 25 EAKQARSDIEKLKE AIRDTNKAVQSVQSSIGNLIV AKQARSDIEKLKEÁIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVA KQARSDIEKLKEÁIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAI QARSDIEKLKEÁIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIK ARSDIEKLKE ÁIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKS RSDIEKLKE AIRDTNKAVQSVQSSIGNLIVAIKSV

30





ANTI-SIMIAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS (SIV) PEPTIDES

5 WQEWERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKI
QEWERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKIN
EWERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINS
ERKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSW

10 RKVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSWD
KVDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSWDV
VDFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSWDVF
DFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSWDVF
GFLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSWDVFG
FLEENITALLEEAQIQQEKNMYELQKINSWDVFG

The one letter amino acid code of Table 1 is used.

15

TABLE 19

ANTI-MEASLES VIRUS (MEV) PEPTIDES

LHRIDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELL HRIDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLE/ RIDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLES **IDLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESS** DLGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSD 10 LGPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQ **GPPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLÉSSDQI** PPISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLÉSSDQIL PISLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLÉSSDQILR SLERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLÉSSDQILRSM 15 LERLDVGTNLGNAIAKLEAKELLESSDQILRSMK